

[HAL] halshs-02497661, version 1 : Dépôt accepté



2016_IASCYS x

HAL <noreply@ccsd.cnrs.fr>

jeu. 12 mars 11:24



À moi ▾

Bonjour Pierre Bricage,

Votre document halshs-02497661, version 1 est maintenant en ligne sur le portail HAL (HAL <https://hal.archives-ouvertes.fr>).

Le lien pour visualiser votre article est : <https://halshs.archives-ouvertes.fr/halshs-02497661>

Cordialement,

L'équipe du portail HAL
HAL CCSD

Le nouveau coronavirus chinois est-il un avatar d'un coronavirus génétiquement modifié pour fabriquer un vaccin curatif du SIDA ? : Vaccins curatifs : quelle technologie mettre en œuvre ?

Pierre Bricage¹ [Détails](#)

1 AFSCET - Association Française de Science des Systèmes

en
fr

Résumé : Le rhume est une affection bénigne pourtant un nouveau coronavirus déclenche, chez l'homme adulte âgé, un très très gros rhume qui peut être mortel. Pourquoi ? Cette nouvelle souche virale est d'emblée "humanisée" et le traitement de la maladie associée répond aux médicaments anti-VIH. Le virus est caractérisé par un génome modifié, qui ne peut pas provenir de mutations et de recombinaisons génétiques apparues naturellement. C'est une chimère génétique associant des structures (protéine d'enveloppe) et des propriétés fonctionnelles (protéase) à la fois d'un coronavirus (le génome) et du Virus de l'Immunodéficience Humaine (la capsid). Comment ce virus artificiel conçu par génie génétique pour être un vaccin curatif du SIDA, et traiter uniquement les malades, at -il été "libéré" dans la nature ? Une autre méthodologie de construction d'un vaccin curatif du VIH plus contrôlable est-elle envisageable ?

en **Mots-clés :** 2019 cellule hôte chimère génétique coronavirus génie génétique
fr Organisme Génétiquement Modifié OGM rhume SIDA vaccination curative
Virus de l'Immunodéficience Humaine VIH Wuhan

Type de document : **Pré-publication, Document de travail**

Domaine : **Sciences de l'Homme et Société / Gestion et management**
Sciences du Vivant [q-bio]

FICHIER



WuhanEngineeredCoronavirus_
Fichiers produits par l'(les)
auteur(s)

*résumé d'un cycle de
conférences données à
l'Université de Pau*

LICENCE



Distributed under a Creative Commons
Paternité - Pas d'utilisation commerciale -
Pas de modification 4.0 International
License

IDENTIFIANTS

• HAL Id : **halshs-02497661, version 1**

COLLECTIONS

[HAL] halshs-02497661, version 1 : Dépôt non accepté



Boîte de réception ✕



HAL <noreply@ccsd.cnrs.fr>

15:51 (il y a 46 minutes)



 À moi ▾

Bonjour Pierre Bricage,

Malheureusement, votre document (halshs-02497661, version 1) ne peut pas être accepté sur le portail HAL (HAL <https://hal.archives-ouvertes.fr>).

Dans le contexte actuel, HAL revoit sa politique de mise en ligne de documents non publiés qui concernent le COVID-19. Par conséquent, votre document n'est plus en ligne sur HAL .

Nous vous remercions de votre compréhension

Si vous désirez des informations complémentaires concernant la validation scientifique de ce dépôt, veuillez écrire à hal.support@ccsd.cnrs.fr

Cordialement,

L'équipe du portail HAL

HAL CCSD

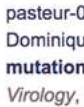
Archive ouverte HAL

L'archive ouverte pluridisciplinaire HAL, est destinée au dépôt et à la diffusion d'articles scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, et de thèses, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

À l'attention du déposant

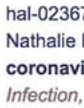
- Le dépôt du texte intégral est effectué en accord avec les co-auteurs et dans le respect de la politique des éditeurs

- ☐  hal-02509142v3 **Pré-publication, Document de travail**
Nicolas Bacaër. **Un modèle mathématique des débuts de l'épidémie de coronavirus en France**
2020

- ☐  pasteur-00819935v1 **Article dans une revue**
Dominique J Favreau, Marc Desforges, Julien R St-Jean, Pierre J Talbot. **A human coronavirus OC43 variant harboring persistence-associated mutations in the S glycoprotein differentially induces the unfolded protein response in human neurons as compared to wild-type virus.**
Virology, Elsevier, 2009, 395 (2), pp.255-67. <10.1016/j.virol.2009.09.026> 

- ☐  hal-02113588v1 **Article dans une revue**
Peng Yuan, Shilei Huang, Zhou Yang, Luyi Xie, Kai Wang *et al.* **UBXN1 interacts with the S1 protein of transmissible gastroenteritis coronavirus and plays a role in viral replication**
Veterinary Research, BioMed Central, 2019, 50 (1), pp.28. <10.1186/s13567-019-0648-9>

- ☐  pasteur-01664346v1 **Article dans une revue**
Alexandra Walls, M. Alejandra Tortorici, Berend-Jan Bosch, Brandon Frenz, Peter J. M. Rottier *et al.* **Cryo-electron microscopy structure of a coronavirus spike glycoprotein trimer**
Nature, Nature Publishing Group, 2016, 531 (7592), pp.114 - 117. <10.1038/nature16988> 

- ☐  hal-02367384v1 **Article dans une revue**
Nathalie Kin, Fabien Miszczak, Laure Diancourt, Valérie Caro, François Moutou *et al.* **Comparative molecular epidemiology of two closely related coronaviruses, bovine coronavirus (BCoV) and human coronavirus OC43 (HCoV-OC43), reveals a different evolutionary pattern**
Infection, Genetics and Evolution, Elsevier, 2016, 40, pp.186-191. <10.1016/j.meegid.2016.03.006> 

coronavirus



NOMBRE DE RÉFÉRENCES

2 027 090

NOMBRE DE DOCUMENTS SCIENTIFIQUES

669 746

ACTUALITÉS

EPIDÉMIE DE COVID-19 : LE GOUVERNEMENT DEMANDE L'OUVERTURE COMPLÈTE DES PUBLICATIONS ET DONNÉES SCIENTIFIQUES ISSUES DE LA RECHERCHE FRANÇAISE SUR LE COVID-19 (30/03/2020)

LES SERVICES SUPPORT ET MODÉRATION CONTINUENT LEURS ACTIVITÉS. LES FORMATIONS EN LIGNE SONT MAINTENUES (30/03/2020)

DÉPÔT DANS HAL : FORMEZ-VOUS EN LIGNE (14/01/2020)

FEUILLE DE ROUTE DU CNRS POUR LA SCIENCE OUVERTE (18/11/2019)

RÉFÉRENTIEL DES PROJETS ANR : IMPORT DES PROJETS PIA GÉRÉS PAR L'AGENCE (IDEX, LABEX) DE 2011 À 2017